



Organisme belge d'Accréditation  
Belgische Accreditatieinstelling  
Belgische Akkreditierungsstelle  
Belgian Accreditation Body

EA MLA Signatory

Annexe au certificat d'accréditation  
Bijlage bij accreditatiecertificaat  
Annex to the accreditation certificate  
Beilage zur Akkreditierungszertifikat

# 649-MED

EN ISO 15189:2022

Version / Versie / Version / Fassung	7
Validité / Geldigheidsperiode / Validity / Gültigkeitsdauer	2024-09-10 - 2029-09-09

**Maureen Logghe**

La Présidente du Bureau d'Accréditation  
Voorzitster van het Accreditatiebureau  
Chair of the Accreditation Board  
Vorsitzende des Akkreditierungsbüro

L'accréditation est délivrée à / De accreditatie werd uitgereikt aan  
The accreditation is granted to / Die akkreditierung wurde erteilt für:

**Hôpital Erasme - Cliniques Universitaires de Bruxelles**  
**Route de Lennik 808**  
**1070 Anderlecht**

Sites d'activités / Activiteitencentra / Sites of activities / Standorte mit aktivitäten:

Laboratoire de Génétique	Route de Lennik 808 1070 Anderlecht
--------------------------	--

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé
<b>GENETIQUE</b>			
<b>GENETIQUE MOLECULAIRE HEREDITAIRE</b>			
Mutations HFE1	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Détections des mutations C282Y et H63D du gène HFE1	LAMP - Analyse par courbe de dissociation/Kit LaCAR (Réf: LAMP Human Hemochromatosis KIT (rs1800562/rs1799945))
Mutations CFTR	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités choriales, liquide amniotique) et de sang néonatal spotté sur carte Guthrie et punché	Détection de 88 mutations du gène CFTR	Reverse dot-blot kit Fujirebio CFTRiage
Mutations CFTR	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de mutations (ponctuelles et nombre de copies) du gène CFTR	MPS (QIAseq Targeted DNA Custom Panels - référence interne: v2)

Variants TPMT	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Détection des variants c.238 G>C, c.460G>A et c.719A>G du gène TPMT	PCR en temps-réel - Discrimination allélique/Quantstudio6 (Kit maison)
Achondroplasie	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités chorales, liquide amniotique)	Détection de la mutation G380R (G en A au nucléotide 1138) du gène FGFR3	PCR en temps-réel - Discrimination allélique/Quantstudio6 (Kit maison)
Mutation AZFa, AZFb, AZFc	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de délétion des régions AZFa, AZFb, et AZFc du chromosome Y	PCR multiplex (Kit maison)
Mutations Déficience auditive fréquente	ADN extrait au départ de tissu frais (sang).	Recherche de mutations (ponctuelles et nombre de copies) des gènes GJB2, GJB6, STRC et OTOA	MPS (QIAseq Targeted DNA Custom Panels - référence interne: v2)
Mutations Déficience auditive fréquente	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités chorales, liquide amniotique).	Recherche de mutations ponctuelles des gènes GJB2, GJB6, STRC et OTOA	PCR - Séquençage

Mutations FMR1	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités chorales, liquide amniotique)	Recherche de mutations par expansion du gène FMR1	PCR en fluorescence (sizing) - Ref: Asuragen AmplideX FMR1 PCR Reagents
Mutations HBB (mutations C et S)	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités chorales, liquide amniotique)	Détection des mutations E6K et E6V du gène HBB	PCR en temps-réel-Discrimination allélique/ Quantstudio6 (Kit maison)
Mutations HBB	ADN extrait au départ de tissu frais ( sang).	Recherche de mutations (ponctuelles et nombre de copies) du gène HBB.	MPS (QIAseq Targeted DNA Custom Panels - référence interne: v2)
Mutations HBB	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités chorales, liquide amniotique) .	Recherche d'anomalie de nombre de copie du locus beta-globin.	MLPA kit MRC-Holland (Réf: SALSA MLPA Probemix P102 HBB)
Mutations HBB	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités chorales, liquide amniotique).	Recherche de mutations ponctuelles du gène HBB.	PCR - Séquençage sanger

Mutations HBA1 et HBA2	ADN extrait au départ de tissu frais (sang).	Recherche d'anomalie de nombre de copie des gènes HBA1 et HBA2.	MLPAkit MRC-Holland (Réf: SALSA MLPA Probemix P140 HBA)
Mutations HBA1 et HBA2	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités chorales, liquide amniotique)	Recherche de mutations ponctuelles des gènes HBA1 et HBA2.	PCR - Séquençage sanger
Mutations PAH	ADN extrait au départ de tissu frais (sang).	Recherche de mutations (ponctuelles et nombre de copies) du gène PAH.	MPS (QIAseq Targeted DNA Custom Panels - référence interne: v2)
Mutations PAH	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités chorales, liquide amniotique)	Recherche d'anomalie de nombre de copie du gène PAH.	MLPA kit MRC-Holland (Réf: SALSA MLPA Probemix P055 PAH)
Mutations PAH	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités chorales, liquide amniotique)	Recherche de mutations ponctuelles du gène PAH	PCR - Séquençage sanger

Mutations Prader-Willi / Angelman	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités choriales, liquide amniotique)	Recherche de mutations par délétion ou disomie uniparentale du chromosome 15 au niveau du locus PWS/ANG	MLPA kit MRC-Holland (Réf: SALSA MLPA ME028 Prader Willi/Angelman)
Mutations SMN1 - dépistage	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités choriales, liquide amniotique)	Recherche de délétion de l'exon 7 du gène SMN1	PCR en temps réel - analyse par delta delta Ct
Mutations SMN1	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités choriales, liquide amniotique)	Recherche de délétion des exons 7 et 8 du gène SMN1 et du gène SMN2.	MLPA kit MRC-Holland (Réf: SALSA MLPA P021 SMA)
Fièvres	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités choriales, liquide amniotique)	Recherche de mutations des gènes du panel MAIPO V3	MPS Kit HyperPlus - HyperChoice (référence interne: MAIPO V3) de Roche  Automatisation de la 1ère partie de la préparation de librairie par l'automate ML STAR Hamilton
Fièvres	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités choriales, liquide amniotique)	Recherche de mutations des gènes du panel MAIPO V3	PCR - Séquençage

Prédisposition génétique au cancer du sein et de l'ovaire	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de mutations des gènes du panel Custom Hereditary cancer solution by Sophia (CHCS_W_V1) APC, ATM, AXIN2, BAP1, BARD1, BMPR1A, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDK4, CDKN2A, CHEK2, EPCAM, HOXB13, MLH1, MSH2, MSH3, MSH6, MUTYH, NBN, NTHL1, PALB2, PMS2, PMS2CL, POLD1, POLE, POT1, PTEN, RAD51C, RAD51D, RECQL, SMAD4, STK11, TP53	MPS Kit Custom Hereditary Cancer Solution de Sophia Genetics (ref.CHCS_W_V1).  Automatisation de la 1ère partie de la préparation de librairie par l'automate ML STAR Hamilton
Prédisposition génétique au cancer du sein et de l'ovaire	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de mutations ponctuelles des gènes APC, ATM, AXIN2, BAP1, BARD1, BMPR1A, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDK4, CDKN2A, CHEK2, EPCAM, HOXB13, MLH1, MSH2, MSH3, MSH6, MUTYH, NBN, NTHL1, PALB2, PMS2, PMS2CL, POLD1, POLE, POT1, PTEN, RAD51C, RAD51D, RECQL, SMAD4, STK11, TP53	PCR - Séquençage

Prédisposition génétique au cancer du sein et de l'ovaire	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche d'anomalie de nombre de copie des gènes BRCA1 et BRCA2.	MLPA kit MRC-Holland (Réf: SALSA MLPA Probemix P002 BRCA1 et P045 BRCA2)
Huntington	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités choriales, liquide amniotique)	Recherche de mutations par expansion du gène HTT	PCR en fluorescence (sizing) (Kit maison)
Neuropathies	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de mutations (ponctuelles et nombre de copies) des gènes PMP22 et GJB1.	MPS (QIAseq Targeted DNA Custom Panels - référence interne: v2)
Anomalies neurodéveloppementales	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de mutations dans un panel de gènes associés aux anomalies développementales Liste des gènes disponible sur demande	MPS - exome (Twist Comprehensive Exome Panel (Twist Bioscience) V2). Partie sous-traitée: séquençage Novaseq
Anomalies congénitales	ADN extrait au départ de tissu frais (sang, villosités choriales, liquide amniotique)	Recherche de mutations dans un panel de gènes associés aux anomalies congénitales Liste des gènes disponible sur demande	Partie sous-traitée: Séquençage NovaSeq. Partie sous-traitée: séquençage Novaseq

Pathologies neuromusculaires	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de mutations dans un panel de gènes associés aux pathologies neuromusculaire Liste des gènes disponible sur demande	MPS - exome (Twist Comprehensive Exome Panel (Twist Bioscience) V2). Partie soustraitée: séquençage Novaseq
Neuropathies	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de mutations dans un panel de gènes associés aux neuropathies Liste des gènes disponible sur demande	MPS - exome (Twist Comprehensive Exome Panel (Twist Bioscience) V2). Partie soustraitée: séquençage Novaseq
Pathologies neuromusculaires	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de mutations dans un panel de gènes associés aux ataxies Liste des gènes disponible sur demande	MPS - exome (Twist Comprehensive Exome Panel (Twist Bioscience) V2). Partie soustraitée: séquençage Novaseq
Paraplégie spastique	ADN extrait au départ de tissu frais (sang)	Recherche de mutations dans un panel de gènes associés à la paraplégie spastique Liste des gènes disponible sur demande	MPS - exome (Twist Comprehensive Exome Panel (Twist Bioscience) V2). Partie soustraitée: séquençage Novaseq

CYTOGENETIQUE CONSTITUTIONNELLE			
Caryotype constitutionnel	Sang	Caryotype sur sang	Mise en culture de sang Préparation de lames Coloration bandes G/Méthode maison
CGH array constitutionnel	ADN extrait au départ de tissu frais (Liquide amniotique, villosités choriales, sang, pièces fœtales, embryon et annexes)	Caryotype moléculaire (recherche de gains/pertes chromosomiques par CGHa) dans le cadre d'affections constitutionnelles postnatales et prénatales)	CGH array sur lame Oligo: marquage cytosure sur lame cytosure v3 8x60k et cytosure v3 4x180k /Méthode maison
Aneuploïdies par QF-PCR	ADN extrait au départ de tissu frais (Liquide amniotique, villosités choriales, sang, pièces fœtales, embryon et annexes)	Détection des aneuploïdies 13,18,21 et sexe dans le cadre d'affections constitutionnelles prénatales	QF-PCR/Kit KIT, Elucigene, QST*R Plus v2